

# METACORE

## 数据挖掘与分子通路分析



### METACORE 可用于：

- 药物发现 (drug discovery) 中组学 (OMICS) 数据的通路分析
- 在数据库中进行知识挖掘，产生假设
- 靶标和生物标记物的评估与验证
- 全面疾病通路的建立和发病机制的研究
- 病患分层、综合性比对和功能性指纹图谱

### 适合以下专业人员：

- 生物研究人员
- 发现生物学家
- 生物信息学家
- 生物标记小组和临床前研究人员
- 治疗领域方向高层人员
- 首席调研员 (临床医生等 PI)
- 转化医学研究人员

MetaCore™ 拥有高质量的系统生物学内容，为加快您的科学研究提供关键数据与分析工具。

### METACORE 概览

MetaCore 是一个整合的套装软件，用于芯片、代谢、SAGE、蛋白质组学、siRNA、microRNA 和筛选工作的数据进行功能性分析。MetaCore 提供的高质量内容均经过专业人员审阅，其中包括：

- 转录因子、受体、配体、激酶、药物和內源代谢物，以及其它分子
- 蛋白质-蛋白质、蛋白质-DNA 和蛋白质-RNA 之间物种特异性的直接相互作用、药物靶标、生物活性分子及其作用
- 用通路图和网络的形式展示信号传递和代谢通路
- 以分层和图形化的方式展现疾病及生命过程本质

您可将试验数据上传至 MetaCore 进行通路分析等操作，用于发现、验证或开展新的研究假设 (靶标筛选及生物标记物研究)。

MetaCore 中的数据挖掘功能包括：数据可视化、数据分析和数据交换，多种网络化算法 (网络构建)，富集分析，计算机模拟的信息过滤功能，易用的数据分析 workflow。

Metacore 系统也可以作强大的知识库使用，在底层文献的支持下，用于检索基因、蛋白质、化合物、疾病等相关信息。利用高级检索技术而深入挖掘与您研究相关的重要信息，并且采用条件性查询而对您的假设进行验证。这方面的应用有以下特色：

- MetaCore 数据库，可以方便地对信息进行过滤，检索功能强大

- 灵活且直观的搜索方式和搜索结果展示
- 从 Metacore 中获取的相关信息为下一步的实验提供了可靠的研究方向

功能实体学、类别和过滤功能使检索、网络、通路和数据流分析工作更加匹配您特定的研究方向，从而加快和简化您的研究发现及其验证过程。

### METACORE 内容

MetaCore 包含的内容均经过同行评审和人工验证，在准确性、可靠性和全面性方面，MetaCore 是行业领先的数据信息平台。涵盖 2,700 个科学期刊，经过博士和医学博士级别的研究人员审阅的大量文献支持，确保 MetaCore 的每个细节都准确无误。同时，对超过一百万个实验室规模的蛋白相互作用，都定义了方向、效应和机制。

基于 12 大功能实体，MetaCore 可用于筛选和富集分析，其中有许多是 MetaCore 独有的经典范式通路图，涵盖近 200,000 个通路和 1,000 多个种属特异性的分子复合物及网络群组关系的结构。MetaCore 帮助您：

- 结合通路图和网络关系，分析高通量筛选试验数据
- 针对您的基因、蛋白、转录本或化合物列表，找出与之相关的重要通路图、网络关系、疾病，并排序列出
- 在同一个通路和网络图上，展示 / 交叉验证不同类型的分子数据
- 针对您的研究，通过疾病、组织、功能过程和亚细胞定位过滤功能，找到与您的研究相关的网络关系图

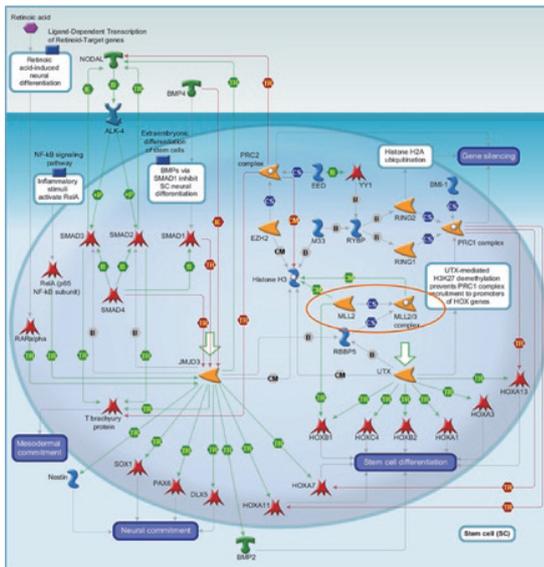
**更多信息 & 分析工具**

MetaCore 还提供大量可选模块，为您的进一步研究提供了更丰富的数据和分析工具：

- **系统毒理学模块：**知识库和数据分析模块，帮助您评价在药物发现和开发的所有阶段中，药物对环境的污染和其他外源化合物的安全性。
- **数据注释与处理工具：**帮助您在几分钟内完成数据的管理、注释和统计工作，使用界面友好。
- **通路图创建工具：**帮助您在现有的经典范式通路图上进行定制化编辑、将庞大的分子网络简化为可用于分析的通路图。也可以从零开始创建新的调控代谢通路图。

您还可以订阅以下领域中由著名专家共同创建的更多通路图，为您提供更多信息，并深入了解您的研究项目：

- 胃癌
- 肝癌
- 亨廷顿舞蹈症
- 肥胖症
- 胰腺癌
- 前列腺癌
- 干细胞



此图描绘了 PPAR 信号传导中涉及的关键通路，其中作为样本的疾病分期数据来自芯片和代谢物组学研究。

欲了解 MetaCore 的更多信息，请联系我们或访问官方网站 [Clarivate.com.cn](http://Clarivate.com.cn)

**内容要点：**

- 超过一百二十万个实验室规模的蛋白 - 蛋白相互作用，并定义了方向和机制
- 几千种疾病
- 近 1000 个 Metacore 专有的经典范式地图
- 9,000 多种代谢反应
- 6,500 多个药物
- 5,000 个内源代谢物
- 700,000 个化合物
- 约 1,000 个经典范式通路图，涵盖近 200,000 个人类、小鼠、大鼠代谢和信号通路（基于文献报道的一致性）
- 种属特异性数据，包括人类、小鼠、大鼠、狗、鸡、线虫、黑猩猩、牛、斑马鱼、果蝇、蚊子、霉菌、面包霉、毕氏啤酒酵母、裂殖酵母、拟南芥、大米、假丝酵母
- 细胞结构定位特异性
- 易于使用的工作流和报告等分析工具
- 可变阈值过滤
- 呈现可视化图形，“通路分析中的 GPS”



**科睿唯安 中国办公室**

北京海淀区科学院南路2号融科资讯中心C座北楼610单元  
 邮编：100190  
 电话：+86-10 57601200  
 传真：+86-10 82862088  
 邮箱：info.china@clarivate.com  
 网站：clarivate.com.cn



关注我们  
 获取更多行业报告